



cgfb
CENTRE **BORDEAUX**
GÉNOMIQUE FONCTIONNELLE



**Centre de Bioinformatique
de Bordeaux**

**F. Maurier, L-A. Schmitt, B.
Dartigues, D. Benaben**

**Galaxy Day
4 décembre 2013**

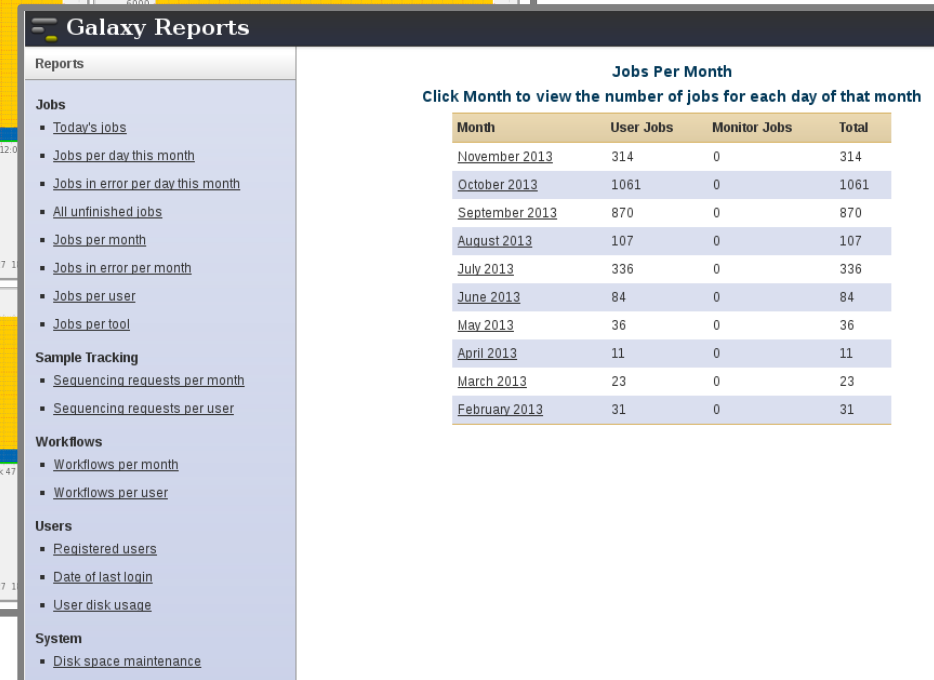
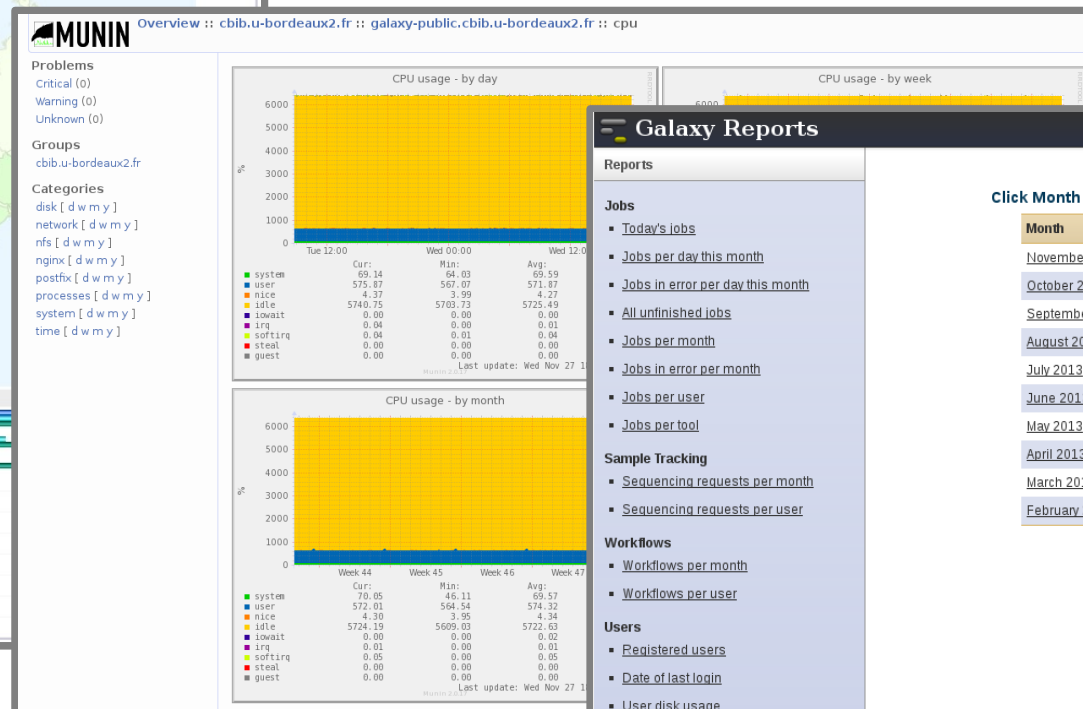
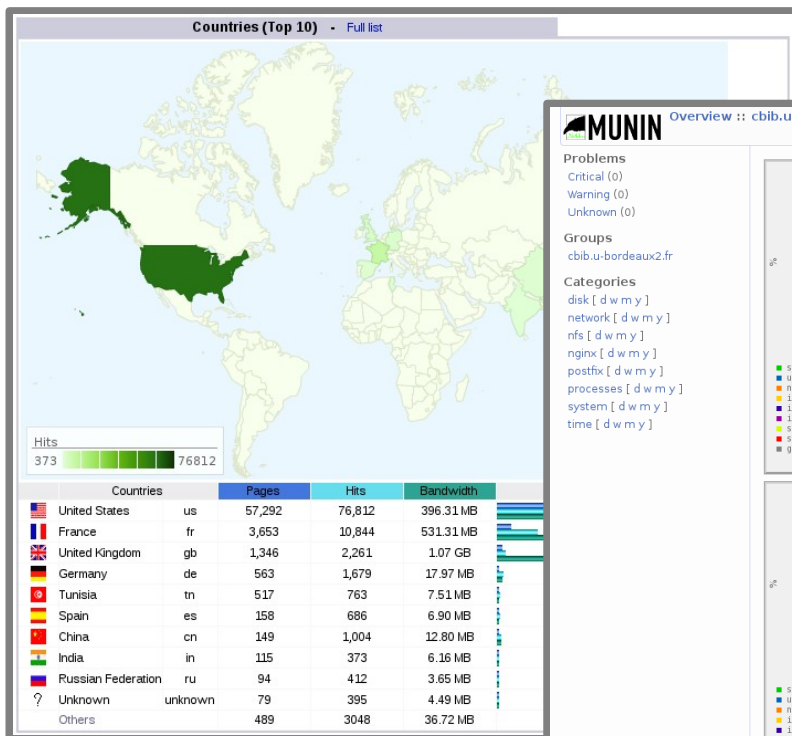
- **Objectifs**
 - Mise à disposition via une interface web :
 - des outils de bioinformatique couramment utilisés
 - des outils développés en interne
 - Deux instances :
 - Test (machine virtuelle)
 - Production (serveur dédié)



The screenshot shows the Galaxy@CBiB web interface. The top navigation bar includes 'Analyze Data', 'Workflow', 'Shared Data', 'Visualization', 'Help', and 'User'. The left sidebar contains a 'Tools' menu with categories like 'Get Data', 'Text Manipulation', 'Filter and Sort', 'Convert Formats', 'FASTA manipulation', 'EMBOSS', 'WGS: QC and manipulation', 'WGS: Blast plus', 'WGS: Indel Analysis', 'WGS: GATK Tools (beta)', 'WGS: Simulation', 'SNP/WGA: Data: Filters', and 'VCF Tools'. The main content area features the CGFB logo and the text 'Centre de Bioinformatique de Bordeaux'. Below the logo, there is a welcome message and a disclaimer: 'This is a free, public, internet accessible resource. This service is provided as an academic best effort in the hope that it will be useful, but WITHOUT ANY WARRANTY. The results of simulations are provided AS IS. We do not warrant or assume any liability or responsibility for the accuracy, completeness or usefulness of any data provided by this server. Data transfer and data storage are not encrypted. If there are restrictions on the way your research data can be stored and used, please consult your local institutional review board or the project PI before uploading it to any public site, including this Galaxy server.' There are also instructions on how to cite the service.

- **Suivi des préconisations du projet (en partie)**
 - PostgreSQL, nginx, etc.
 - Purge des données via script en cron
<http://wiki.galaxyproject.org/Admin/Config/Performance/Purge%20Histories%20and%20Datasets>
- **Test automatique des outils**
 - Script bash qui s'appuie sur « run_functional_tests.sh »
Génération de rapports
 - Test automatique et régulier des outils (Cron / Nagios)
- **Supervision**
Système (charge, espace disque, etc.), Démon Galaxy, Tests des outils

- **Statistiques et rapports d'utilisation**
 - **Galaxy (utilisation + debug): activation de l'interface/démon galaxy-report**
 - **Charge système: Munin**
 - **Statistiques de connexions: AWStats/GeoIP**



- **Suppression des tools incompatible**
Dû à l'utilisation de plusieurs versions de logiciels (tel que « R »)
par les tools galaxy
- **Tests des outils en échec suite mise à jour Galaxy**
Dû aux script de tests qui utilisent une bdd différente
- **Upload de fichier dont le nom contient des accents**
Correction du « bug »
- **Bug de l'interface**
Problème de sortie html avec l'option `_x_accel_redirect` de nginx
- **Problèmes d'encodage**
Encodage renvoyé par nginx != Encodage du fichier

- **Documentation**
Bonne (faut juste « fouiller »)
- **Contact avec le projet simple**
Publication du service sur le « Public Galaxy Servers page »
(<http://wiki.galaxyproject.org/PublicGalaxyServers>)
- **Statistiques et rapports d'utilisation**
Important. Donne une vue sur qui utilise quoi, quand et comment...
- **Peu de retour d'utilisation**
Dû à la jeunesse de notre déploiement (mi-2013) ?
- **Des questions / Des envies**
 - Utilisation des workflow galaxy pour les prestations ?
 - Améliorations : upload via ftp, augmentation des quotas, séparation de l'interface des jobs runners, gestionnaire de version pour la configuration, connexion de l'instance aux machines de calcul/cluster/...